

Qualification et traçabilité des souches

Qualité de la souche

- (11) : souche clairement identifiée, jusqu'à la sous espèce, avec pays d'origine, localité et nombre de générations
- (10) : souche clairement identifiée, jusqu'à la sous espèce, avec pays d'origine et localité
- (9) : souche clairement identifiée, jusqu'à la sous espèce, avec pays d'origine, et nombre de générations
- (8) : souche clairement identifiée, jusqu'à la sous espèce, avec pays d'origine
- (7) : souche clairement identifiée, jusqu'à la sous espèce
- (6) : souche identifiée jusqu'à l'espèce, avec pays d'origine, localité et nombre de générations
- (5) : souche identifiée jusqu'à l'espèce, avec pays d'origine et localité

- (4) : souche identifiée jusqu'à l'espèce, avec pays d'origine, et nombre de générations
- (3) : souche identifiée jusqu'à l'espèce, avec pays d'origine
- (2) : souche identifiée, jusqu'à l'espèce
- (1) : hybridation connue espèce ou sous espèce (sp X sp) ou (ssp X ssp)
- (0) : hybridation inconnue espèce ou sous espèce (Genre sp) ou (Genre espèce ssp)
- (?) : s'il y a un doute sur le Nom, notamment dans le cas du démarrage d'une nouvelle espèce sous forme de larves

Nombre de générations

(WF) : Imagos sauvages

(F1) : première génération souche sauvage

(F2) : deuxième génération souche sauvage
(F)... : etc....

(G0) : démarrage souche d'élevage sans connaître la traçabilité depuis l'origine sauvage ou d'élevage de la souche, et ne démarrant pas de l'œuf

(G1) : première génération connue d'élevage

(G2) : deuxième génération connue d'élevage
(G)... : etc....

Exemples

Papilio polyxenes asterius (?/G0)
Actias luna (6/WF)
Hyalophora columbia (2/G2)
Celastrina ladon ssp. (0/G1)

Dans le cas d'un croisement entre deux souches, il faut utiliser la note la moins disante pour la qualité et le nombre le plus grand de générations connues.

Ex : 11F5 croisée avec 7G3 = 7G5,
7G5 croisée avec 7G2 = 7G5